

【配布先】文部科学記者会、科学記者会、府中市政記者クラブ、宮城県政記者会、東北電力記者クラブ、鹿児島県下報道機関



NEWS RELEASE

報道関係者 各位

2023年9月13日  
国立大学法人 東京農工大学  
国立大学法人 鹿児島大学  
国立大学法人 東北大学

## ナノポアを用いて microRNA 発現上昇・減少パターンの同時検出に成功 ～がん診断への新たなアプローチを提供～

国立大学法人東京農工大学大学院工学府大学院生 滝口創太郎（卓越大学院プログラム履修生）、神原史佳、同大学大学院工学研究院生命機能科学部門の川野竜司教授と国立大学法人鹿児島大学大学院医歯学総合研究科大学院生 谷美香、東北大学大学院歯学研究科 杉浦剛教授のグループは、「DNA コンピューティング（注1）」手法を基盤としたプローブ設計と「ナノポア計測（注2）」により、口腔がんが発現上昇・減少を示す2種類の microRNA を同時検出することに成功しました。本技術は、診療所や自宅などのあらゆる臨床現場で即時診断を行う Point-of-Care-Testing (POCT) への応用が期待されます。

本研究成果は、American Chemical Society が発行する *Analytical Chemistry* に 2023 年 9 月 7 日に掲載されました。

URL : <https://doi.org/10.1021/acs.analchem.3c02560>

論文名: Simultaneous Recognition of Over- and Under-expressed MicroRNAs using Nanopore Decoding

著者: Sotaro Takiguchi, Fumika Kambara, Mika Tani, Tsuyoshi Sugiura, Ryuji Kawano

**現状：**がんの診断手法として、血液や唾液、尿などの体液を用いることで体への負担を最小限に抑えて診断ができるリキッドバイオプシーが注目されています。microRNA (miRNA) はリキッドバイオプシーにおける主要な生理学的指標（バイオマーカー）の一つで、18-25 塩基程度の短鎖ノンコーディング RNA として現在までに 2500 以上の種類がデータバンク（miRBase : <https://mirbase.org/>）に登録されています。バイオマーカーとしての miRNA の特筆すべき有用性として、がん罹患すると早期に複数種類の体液中発現量が増減し、その発現パターンががんの種類によって特異的に変化することが挙げられます。つまり標的とする複数種類 miRNA の発現パターンを同定することで、早期診断・がん種の特定ができると言えます。これまで miRNA の発現プロファイリング手法としては microarray 法や定量的逆転写 PCR 法が使われていますが、その代替となる低コスト・迅速・簡便な手法の開発を目指して、ナノポア計測を用いた miRNA 検出に関する研究が進められてきました。これまでがん罹患時に発現上昇を示す miRNA に関してナノポア計測による多重検出が報告されています（東京農工大学 2022 年 6 月 27 日プレスリリースなど）が、その動作原理上、発現減少 miRNA および発現上昇・減少の同時認識への応用が課題となっていました。

**研究体制：**本研究は、東京農工大学大学院工学府大学院生の滝口創太郎（卓越大学院プログラム履修生）、神原史佳、国立大学法人鹿児島大学大学院医歯学総合研究科大学院生の谷美香、東北大学大学院歯学研究科の杉浦剛教授、東京農工大学大学院工学研究院生命機能科学部門の川野竜司教授らによって実施されました。本研究

は JSPS 科研費：若手研究 (A) 16H06043、基盤研究 (A) 19H00901、学術変革領域研究 (A)「超越分子システム」21H05229、基盤研究 (B) 21H03143、東京農工大学卓越大学院プログラム・プロポーザル型プロジェクト経費の助成を受けたものです。

**研究成果：**本研究では、口腔扁平上皮がん罹患時に発現上昇・減少を示す 2 種類の miRNA を標的としました。2 種類の miRNA を同時に認識しナノポア計測で検出するためのアプローチとして、数学的な問題を計算する DNA コンピューティングにおける配列設計を参考に診断用 DNA プローブを設計しました (図 1)。設計したプローブは標的 miRNA と結合し、miRNA 量に応じて図 1 に示すような 3 種類の二本鎖構造 (出力分子) を取ることが確認されました。また DNA プローブと標的 miRNA による演算 (チューブ内での混合) を熱力学的パラメータからシミュレーションしたところ、発現上昇・減少を含む 4 パターンの発現状態に応じて 3 種類の出力分子の存在比が変動することを見出しました。3 種類の出力分子は、それぞれナノポア計測で特徴的な電流阻害シグナルとして検出・識別できることから、シグナル解析結果をもとに溶液中に含まれる出力分子の存在比を算出し、4 種類の miRNA 発現パターンを識別することに成功しました。さらに、がん患者・健常者の血清検体に含まれる miRNA も同様にして検出、発現パターンを識別できることを示しました。

**今後の展開：**本研究では、がん罹患時に発現上昇・減少を示す複数種類 miRNA の同時パターン認識に成功しました。本成果により、診断において標的とする核酸バイオマーカーの種類を拡張することができ、ナノポアを用いたがん診断の応用研究に貢献できると考えます。また、現行のナノポア計測システムには習熟したスキルが必要とされるため、本技術の汎用化・ハイスループット化を目指して市販のナノポアデバイスへの搭載を試み、早期診断・予後観察といった実応用へと展開していきたいと考えています。

注 1) DNA コンピューティング

人工配列設計した DNA 分子を用いて任意の情報処理を実装する技術。

注 2) ナノポア計測

脂質二分子膜のようなイオン不透過性の薄膜に構築されたナノメートルスケール (1 ミリメートルの 100 万分の 1) の細孔：ナノポアを流れるイオン電流を計測する技術。標的分子がナノポア内を通過すると一時的にイオンの流れが阻害され、電流阻害シグナルとして検出することができる。本研究では膜タンパク質  $\alpha$ -hemolysin をナノポアとして用いた。

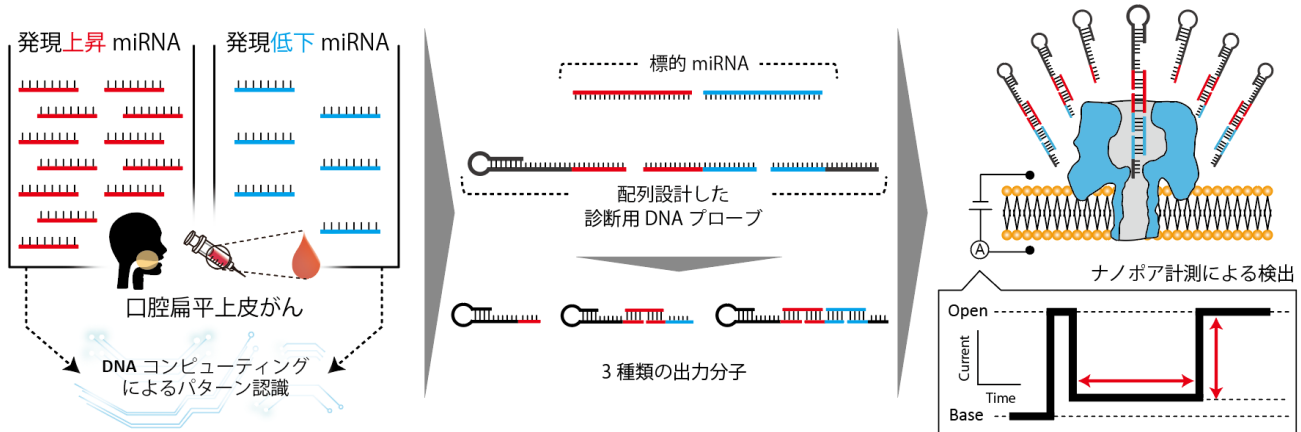


図 1 本研究の概要。口腔扁平上皮がん罹患時に発現上昇・減少を示す 2 種類の miRNA を標的として、従来の DNA コンピューティング手法を利用した DNA プローブ設計をしました。ナノポア計測で得られる電流阻害シグナルを解析することで、標的 miRNA の発現上昇・減少パターンを同時検出することに成功しました。

◆ 研究に関する問い合わせ ◆

東京農工大学大学院工学研究院  
生命機能科学部門 教授  
川野 竜司 (かわの りゅうじ)  
TEL/FAX : 042-388-7187  
E-mail : [rjkawano@cc.tuat.ac.jp](mailto:rjkawano@cc.tuat.ac.jp)

東北大学大学院歯学研究科  
病態マネジメント歯学講座  
顎顔面口腔腫瘍外科学分野 教授  
杉浦 剛 (すぎうら つよし)  
TEL : 022-717-8349  
Mail : [tsuyoshi.sugiura.b2@tohoku.ac.jp](mailto:tsuyoshi.sugiura.b2@tohoku.ac.jp)